

Formation en Bioinformatique
Plateforme ABiMS
2014

Module
Galaxy RNAseq

Objectifs

Connaître les principales méthodes et outils d'analyse des données RNA-seq. Pouvoir les mettre en œuvre via un serveur web Galaxy

Programme

- Rappel : Galaxy, méthode de nettoyage de séquence
- Construction d'une expérience de RNAseq
- Approche d'assemblage avec référence
- Approche d'assemblage de novo
- Analyse de l'expression des transcrits, analyse de l'expression différentielle
- Annotation fonctionnelle

Public

Personnel scientifique et technique

Pré requis

Avoir suivi le module « Galaxy Initiation »
Expérience en traitement de séquences

Modalités pédagogiques

Cours réalisé en salle TP informatique IGM
Théorie : 20% / Pratique : 80%
Un poste de travail par stagiaire

Durée : 2 jours

Intervenants

E. Corre / G. Le Corguillé / A. Cormier

Renseignements

christophe.caron@sb-roscoff.fr

Tél: 02 98 29 25 43

Pre-inscriptions en ligne

<http://abims.sb-roscoff.fr/formation>

Frais pédagogiques

<http://abims.sb-roscoff.fr/formation>