

Formation en Bioinformatique
Plateforme ABiMS
2016

Module
Linux avancé

Objectifs

- Savoir utiliser des commandes linux pour traiter de grosses quantités de données : fichiers volumineux et/ou en grands nombres : recherche, comptage, tri, fusion, ...

Programme

- Introduction
- Décrire (*wc, grep*)
- Manipuler des fichiers tabulés (*cut, sort*)
- Rechercher (*grep*)
- Redirection / Pipeline (*stdin, stdout, stderr, >, 2>, &&, |*)
- Recherche avancée : notion d'expression régulière (*egrep*)
- Rechercher/Remplacer haut débit (*tr, sed*)
- Manipulation de fichier tabulé – mode avancé (*awk*)
- Traitement séquentiel de nombreux fichiers (*for*)

Public

Personnel scientifique et technique

Pré requis

Avoir suivi le module « Linux Initiation »
ou maîtriser son programme

Modalités pédagogiques

Cours réalisé en salle TP informatique (IGM ou HDF)
Théorie : 30% / Pratique : 70%
Un poste de travail par stagiaire

Durée : 1 jour

Intervenants

Gildas Le Corguillé / Mark Hoebeke

Renseignements formation

mark.hoebeke@sb-roscoff.fr

Tél: 02 98 29 25 68

Pre-inscriptions en ligne

<http://abims.sb-roscoff.fr/formation>