

**Formation en Bioinformatique**  
**Plateforme ABiMS**  
**2015**

**Module**  
***Linux avancé***

**Objectifs**

- Savoir utiliser des commandes linux pour traiter de grosses quantités de données : fichiers volumineux et/ou en grands nombres : recherche, comptage, tri, fusion, ...

**Programme**

- Introduction
- Décrire (*wc, grep*)
- Manipuler des fichiers tabulés (*cut, sort*)
- Rechercher (*grep*)
- Redirection / Pipeline (*stdin, stdout, stderr, >, 2>, &&, |*)
- Recherche avancée : notion d'expression régulière (*egrep*)
- Rechercher/Remplacer haut débit (*tr, sed*)
- Manipulation de fichier tabulé – mode avancé (*awk*)

**Suivant le temps**

- Boucle de traitement sur un ensemble de fichier (*for*)

**Public**

Personnel scientifique et technique

**Pré requis**

Avoir suivi le module « Linux Initiation »  
ou maîtriser son programme

**Modalités pédagogiques**

Cours réalisé en salle TP informatique (IGM ou HDF)

Théorie : 20% / Pratique : 80%

Un poste de travail par stagiaire

**Durée : 1 jour**

**Intervenants**

Gildas Le Corguillé et Gwendoline Andres

**Renseignements**

[christophe.caron@sb-roscoff.fr](mailto:christophe.caron@sb-roscoff.fr)

Tél: 02 98 29 25 43

**Pre-inscriptions en ligne**

<http://abims.sb-roscoff.fr/formation>

**Frais pédagogiques**

<http://abims.sb-roscoff.fr/formation>