

**Formation en Bioinformatique**  
**Plateforme ABiMS**  
**2017**

**Module**  
***Galaxy Initiation***

**Objectifs**

- Savoir analyser ses données sous l'environnement Galaxy.
- Être en mesure de créer ses workflows.

**Programme**

- Téléchargement des données à traiter.
- Manipulation de fichiers.
- Traitement des données.
- Visualisation des résultats.
- Création de workflows.
- Partage de résultats et de workflows.

**Public**

Personnel scientifique et technique

**Pré-requis**

Aucun

**Modalités pédagogiques**

Cours réalisé en salle TP informatique IGM

Théorie : 20% / Pratique : 80%

Un poste de travail par stagiaire

**Durée : 1 journée**

**Intervenants**

Misharl Monsoor / Lorraine Guéguen / Gildas Le Corguillé

**Renseignements formation**

[mark.hoebeke@sb-roscoff.fr](mailto:mark.hoebeke@sb-roscoff.fr)

Tél: 02 98 29 25 68

**Pre-inscriptions en ligne**

<http://abims.sb-roscoff.fr/formation>