

**Formation en Bioinformatique**  
**Plateforme ABiMS**  
**2020**

**Module**  
***Utilisation du cluster de calcul***

**Objectifs**

- Disposer des concepts et de bonnes pratiques d'utilisation des ressources de calcul.
- Être capable d'utiliser les ressources de calcul de la plateforme en toute autonomie.

**Programme**

- Introduction : les équipements (calcul et stockage), les outils et les données.
- Les banques de données : mises à jour, dépendances...
- Calcul parallèle : concepts.
- Les files d'attente.
- Les environnements parallèles à disposition : distribution, threads...
- Les traitements : soumission, suivi, suppression, gestion des erreurs...

**Public**

Personnel scientifique et technique

**Pré-requis**

Être autonome sous Linux ou avoir suivi le module Linux initiation

**Modalités pédagogiques**

Cours réalisé en salle TP informatique IGM  
Théorie : 20% / Pratique : 80%  
Un poste de travail par stagiaire

**Durée** : 1 journée

**Intervenants**

Gildas LE CORGUILLÉ / Mark HOEBEKE

**Renseignements formation**

[mark.hoebeke@sb-roscoff.fr](mailto:mark.hoebeke@sb-roscoff.fr)

Tél: 02 98 29 25 68

**Pre-inscriptions en ligne**

<http://abims.sb-roscoff.fr/formation>